

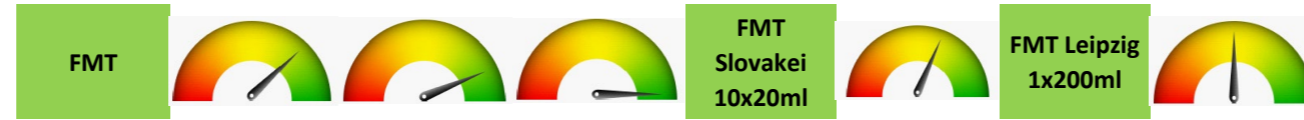
Tom Parkinson, Diagnose Parkinson 15.12.2020

www.parkinsonclub.de

Stand: 26.04.2024

geplant	10.05.2024	31.12.2023	17.05.2023	06.01.2023	19.09.2022	12.07.2022	12.11.2021	19.01.2021	24.09.2019	Anfang 2019
medivere	geplant	medivere	medivere	medivere		medivere		medivere	MVZ Labor	MVZ Labor

Diversität



FODMAP-Index				2,40	2,80	2,30		2,90		3,10
--------------	--	--	--	------	------	------	--	------	--	------



Dysbiose (Parkinson = unausgeglichene Dysbiose)				gut	top!	sehr gut		gut		recht gut	schlecht
---	--	--	--	-----	------	----------	--	-----	--	-----------	----------



Fäulnisflora				-1	0	0		0		-1	-2
protektive Säuerungsflora				0	0	0		0		0	-2
Histaminbildner				-1	0	-1		0		-1	-1
Pilze				0	0	0		-1		-1	0
ph-Wert				-1	0	0		-1		0	-1

Funktionelle Mikrobiota

Mucindegredation				0	0	-1		-1		0
Mukosaprotektion				1	1	1		-2		-2
Sulfatreduzierende Mikrobiota				0	0	0		0		-1
Neuroaktive Mikrobiota				1	2	2		2		1
Methanbildende Mikrobiota				0	0	0		0		0
LPS-Keime				0	0	0		0		-1

Enterotyp				unbestimmt	unbestimmt	unbestimmt		1		1
-----------	--	--	--	------------	------------	------------	--	---	--	---

Mikrobiomassoziierte Gesundheitsrisiken

entzündliche Darmerkrankungen				Nein	Nein	Nein		leicht erhöht		leicht erhöht
Reizdarmsyndrom				leicht erhöht	Nein	leicht erhöht		Nein		leicht erhöht
Autoimmunerkrankungen				Nein	Nein	Nein		Nein		leicht erhöht
Neurologische Erkrankungen				Nein	Nein	Nein		Nein		leicht erhöht
Metabolische Erkrankungen				Nein	Nein	leicht erhöht		leicht erhöht		leicht erhöht

Bioindikatoren

Stuhl-ph-Wert	5,5-6,5			6,60	6,40	6,50		6,80		6,40	6,70
Biodiversität (Shannon Index)**	>2,7			3,09	3,10	3,20		2,94		2,87	
Firmicutes/Bacteroidetes-Ratio** (less = bad)	0,9-1,5			1,20	1,40	1,80		1,10		1,10	
Butyratproduktion** high = good	6,0-11,0			11,90	15,10	14,50		11,60		11,50	
Laktatproduktion**	0,1-1,4			0,40	0,50	0,20		0,60		0,70	
Acetat- und Propionatproduktion**	26,0-42,0			23,80	30,50	17,90		36,30		40,10	
Mucindegredation**	0,05-8,7			8,10	5,40	9,00		8,80		3,10	
LPS-tragende Bakterien**	<3,7			2,28	1,03	2,15		1,18		2,14	

Bakterienstämme (Phyla)

Firmicutes**	42,0-52,0			48,19	50,388	52,851		46,187		44,178
Bacteroidetes** (less = bad)	34,0-45,0			40,28	36,68	29,873		42,801		40,475

Diagnose Parkinson 15.12.2020

Proteobacteria**	4,0-8,8		6,917	6,456	12,326		4,801		11,648
Actinobacteria**	0,3-1,6		0,421	0,584	0,086		0,372		0,507
Verrucomicrobia** (very little is good)	0,007-2,4		0,368	0,526	1,088		0,002		0,002
Fusobacteria**	<0,004		0	0	0		0		0
Cyanobacteria** (very little is good) - Poison!	0,02-0,6		0,1	0,188	0,312		0,128		0,801
https://phys.org/news/2023-09-cyanobacteria-neurotoxin-n-methylamino-l-alanine.html									
Euryarchaeota**	<0,002		0	0	0		0		0
Tenericutes**	0,005-0,200		2,097	2,825	2,4		4,412		0,754

Mucindegradierende Mikrobiota

Akkermansia muciniphila** (very little is good)	0,003-2,1		0,351	0,514	1,072		0		0
Prevotella spp.** > higher better?	0,006-5,1		7,792	4,863	7,963		8,799		3,08
Prevotella copri**	<0,2		1,743	1,84	5,204		5,653		0,002

Mukosaprotective Mikrobiota

Akkermansia muciniphila** (very little is good)	0,003-2,1		0,351	0,514	1,072		0		0
Faecalibacterium prausnitzii** >	1,5-5,2		7,088	9,018	8,462		7,296		5,753

Sulfatreduzierende Mikrobiota

Bilophila wadsworthia**	<0,3		0,272	0,063	0,107		0,098		0,258
Desulfobacter spp.**	<0,004		0,001	0,001	0		0		0
Desulfovibrio spp.** <	<0,2		0,022	0,006	0,002		0,003		0
Desulfuromonas spp.**	<0,001		0	0	0		0		0

Neuroaktive Mikrobiota

Bifidobacterium adolescentis**	0,001-0,2		0,206	0,284	0,002		0,046		0,018
Bifidobacterium dentium** bei PD erhöht!	>0,001		0	0	0		0		0
https://www.nature.com/articles/s41467-022-34667-x/figures/2									
Lactobacillus brevis**	>0,001		0	0	0		0		0
Lactobacillus plantarum**	>0,001		0	0,051	0,003		0,061		0
Lactobacillus paracasei**	>0,001		0	0	0		0		0,07
Oscillibacter spp.**	<0,3		0,214	0,047	0,04		0,063		0,218
Alistipes spp.** <	2,2-6,7		2,055	5,484	3,589		4,299		4,177

Methanbildende Mikrobiota

Methanobacteria**	<0,002		0	0	0		0		0
Methanobrevibacter spp.**	<0,001		0	0	0		0		0

LPS-tragende Mikrobiota

Citrobacter spp.** (very little is good)	<0,001		0	0	0		0		0		
Enterobacter spp.**	<0,007		0,004	0	0,077		0		0		2x10*8
Escherichia spp.** <	<0,3		0,005	0,001	0,005		0		0,002		4x10*8 2x10*8
Klebsiella spp.**	<0,002		0,299	0,013	0,005		0,02		0,018		2x10*7 4x10*8
Providencia spp.**	<0,001		0	0	0		0		0,007		
Pseudomonas spp.**	<0,002		0,003	0,001	0		0,002		0,002		
Serratia spp.**	<0,001		0	0	0		0		0		
Sutterella spp.**	<2,9		1,968	1,015	2,059		1,179		2,11		

Immunmodulation

Enterobacter spp.**	<0,3		0,005	0,001	0,005		0		0,002
Enterococcus spp.** (E. avium - very little is good)	0,001-0,005		0,003	0	0		0		0,053

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC9804059/>

Ballaststoffabbauende Mikrobiota

Bifidobacterium adolescentis**	<0,3		0,206	0,284	0,002		0,046		0,018
Ruminococcus spp.**	2,2-4,8		3,032	3,607	4,615		1,879		2,127

Buttersäure (Butyrat) produzierende Mikrobiota

Butyrivibrio crossotus**	0,001-0,01		0,001	0,005	0,005		0,005		0,009	
Eubacterium spp.**	0,2-1,6		0,983	1,008	0,33		0,499		2,871	
Faecalibacterium prausnitzii** >	1,5-5,2		7,088	9,018	8,462		7,296		5,753	
Roseburia spp.** less = bad	0,3-1,5		0,785	1,417	1,06		1,949		0,743	
https://www.nature.com/articles/s41467-022-34667-x/figures/3										
Ruminococcus spp.**	2,2-4,8		3,032	3,607	4,615		1,897		2,127	

Acetat- / Propionatbildende Mikrobiota

Alistipes spp.** <	2,2-6,7		2,055	5,484	3,589		4,299		4,177	
Bacteroides spp.** less = good	15,0-31,0		15,805	17,381	12,048		23,054		29,595	
Bacteroides vulgatus**	1,0-8,9		1,959	2,53	2,753		4,065		3,122	
Dorea spp.**	0,08-0,2		0,046	0,033	0,022		0,051		0,098	

Laktatbildende / saccharolytische Mikrobiota

Bifidobacterium spp.** <	0,07-1,3		0,314	0,396	0,003		0,304		0,378		
Bifidobacterium adolescentis**	0,001-0,2		0,206	0,284	0,002		0,046		0,018		
Enterococcus spp.** (E. avium - very little is good)	0,001-0,005		0,003	0	0		0		0,053	4x10*8	<3x10*8
Lactobacillus spp.**	0,004-0,02		0,117	0,147	0,188		0,263		0,225	<1x10*5	<1x10*5

Histaminbildende Mikrobiota

Clostridium spp.**	0,9-2,2		2,505	1,184	0,899		0,619				<4x10*6
Enterobacter spp.**	<0,007		0,004	0	0,077		0				
Hafnia alveii**	<0,001		0,004	0	0		0				
Klebsiella spp.**	<0,002		0,299	0,013	0,005		0,002				
Serratia spp.**	<0,001		0	0	0		0				
Escherichia spp.** <	<0,3		0,005	0,001	0,005		0				

Clostridiaceae

Clostridium spp.** (C. leptum bei pD erhöht)	0,9-2,2		2,505	1,184	0,899		0,619		0,632	<1x10*5	4x10*6
Clostridium difficile**	<0,001		0,001	0	0,003		0		0,004	negativ	negativ
Clostridium scindens**	>0,001		0	0	0		0		0	0	0

Sonstige Mikrobiota

Fusobacterium nucleatum**	<0,001		0	0	0		0		0	
Oxalobacter formigenes**	>0,001		0,09	0,034	0,115		0		0	
Anaerotruncus colihominis**	0,04-0,1		0,017	0,009	0,007		0,006		0,02	
Streptococcus spp.**	0,08-0,5		0,09	0,116	0,076		0,054		0,091	

Pilze

Candida spp.**	<0,005		0	0	0		0		0,087	0	0
Candida albicans**	<0,005		0	0	0		0		0	0	0
Geotrichum candidum**	<0,001		0	0	0		0		0,042	0	0
Saccharomyces cerevisiae**	<0,2		0	0	0		0		0,149	0	0
Schimmelpilze**	0		0	0	0		0		positiv	0	0

<https://nachrichten.idw-online.de/2021/11/30/ein-schimmelpilz-dominiert-die-eukaryotische-stuhlmikrobiota-bei-parkinson-patienten?groupcolor=3>

Verdauungsrückstände:

Fett i. Stuhl**	<4,6		2,1	2,3	4,3		1,3		3,2	4,4	3
Wassergehalt i. Stuhl**	70,3-82,7		76	74	72		78		81	71	77
Eiweiß i. Stuhl**	<1,4		1,2	1,2	1,3		1,1		1	1,4	1,1
Stärke i. Stuhl**	2,6-10,6		8	7,4	12,1		8,6		6,4	6,4	10
Zuckergehalt i. Stuhl**	<2,0		1,8	1,4	1		1,6		1,4	1,6	1,7

Malabsorption / Entzündung / Leaky Gut:

Alpha-1-Antitrypsin i. Stuhl	<27,5			14,8	5,9	20,3		4,6		10,3		9,1	13,4
Zonulin (Stuhl) - geänderter Messbereich!	<60,1			920,7	25,2	<14		17,6		16,8		<14,0	14
Calprotectin i. Stuhl	<50			<19,5	<19,5	<19,5		<19,5		<19,5		<19,5	<19,5

Maldigestion:

Pankreaselastase i. Stuhl	>200			497,4	430,8	291,4		157,1		>500		>500	379,7
Gallensäuren i. Stuhl	0,46-9,96			1,24	0,56	0,67		0,32		negativ		negativ	negativ

Schleimhautimmunität:

Sekretorisches IgA i. Stuhl	510,00-2040			324,1	399,8	<277,5		344,1		333,1		353,6	277,5
-----------------------------	-------------	--	--	-------	-------	--------	--	-------	--	-------	--	-------	-------

Mikrobiom-assoziierte Gesundheitsrisiken

keine

Histaminintoleranz				erhöht				erhöht				erhöht	
Adipositas								erhöht				erhöht	
Gastrointestinale Infektanfälligkeit										erhöht		erhöht	
Leaky Gut Syndrom												erhöht	
Chronisches Fatigue Syndrom												erhöht	
Psoriasis												erhöht	
Nicht-alkoholische Fettleber												erhöht	
Nahrungsmittelunverträglichkeit												erhöht	
Psoriasis												erhöht	
Allergie / Asthma												erhöht	
SIBOS												erhöht	
Gastrointestinale Infektanfälligkeit												erhöht	
Morbus Alzheimer												erhöht	

Magen-Darm-Diagnostik - Befundinterpretation

Maldigestion				0	0	0		-1		0		0	
Entzündung				0	0	0		0		0		0	
Intestinale Permeabilität				-1	0	0		0		0		0	
Immunität				-1	-1	-1		-1		-1		-1	

16.05.2023 wichtige Meldung - siehe Link!

<https://www.frontiersin.org/articles/10.3389/fcimb.2021.652617/full> - den Link gibt es ganz unten nochmal...

Es geht um die spezifischen Stämme: *Desulfovibrio desulfuricans*, *Desulfovibrio fairfieldensis*, *Desulfovibrio piger* diese sollte man am besten nicht im Darm haben! Sie sollen wahrscheinlich der Auslöser des Parkinsons sein. *Desulfovibrio* ist bei meinen Stuhlbefunden nicht vorhanden, jedoch muss ich abklären, ob die drei oben genannten Untergruppen auch nicht vorhanden sind - Am 2. November 2023 kam das Ergebnis aus Heidelberg! Ich habe die drei Untergruppen nicht!!!

Auch soll es vorteilhaft sein, möglichst wenig von folgenden Bakterienstämme zu haben (dies trifft bei mir zu - siehe Befunde) : *Cyanobacteria* (Bakterienstamm), *Bifidobacterium dentium* (Neuroaktive Mikrobiota), *Citrobacter spp.* (LPS-tragende Mikrobiota), *Enterococcus spp.* (Immunmodulation + Laktatbildende / saccharolytische Mikrobiota), *Verrucomicrobiaceae*, *Bifidobacteriaceae* und *Christesenellaceae*

Hier ein Link zu meinen ausführlichen Befunden

<https://www.parkinsonclub.de/microbiome-findings-report>

<https://www.parkinsonclub.de/microbiome-transfer>

<https://www.frontiersin.org/articles/10.3389/fcimb.2021.652617/full>

https://www.focus.de/gesundheit/news/ueber-nasenschlauch-wie-eine-kot-transplantation-parkinson-symptome-lindern-kann_id_259842605.html

<https://www.24vita.de/gesundheit/studie-universitaet-konstanz-parkinson-ursache-darm-mikrobiom-forscher-zr-92584301.html>

<https://kops.uni-konstanz.de/server/api/core/bitstreams/ed9abb92-5b3f-483b-b569-cc03cc6a3d91/content>